

瑞金医院领衔 绘出代谢病“中国地图”



欧洲人群中最显著的 2 型糖尿病遗传风险 TCF7L2 基因变异（如 rs7903146）在中国人中的频率却很低，可见在代谢特征和疾病研究中仅参考和验证欧美人群的结果是不行的。

□ 记者 | 黄 祺

中国新冠疫情刚刚缓和的 2020 年 4 月，一篇影响巨大的临床研究论文登上了中科院上海生命科学研究院主办的 Cell Research 杂志。

2020 年 4 月 30 日，瑞金医院内分泌科领衔的 ChinaMAP（中国代谢解析计划）联盟携全国 29 家研究机构 and 医院，在 Cell Research 杂志首次报道了对覆盖全国 27 个省份和直辖市，8 个民族，超过 1 万人的高深度全基因组测序数据和表型的系统性分析。

长期以来，中国人的很多遗传疾病研究都直接应用外国人的数据和结论。但由于不同地域人群和种族之间的历史渊源和遗传背景存在着巨大差异，如果把具有其他人群偏向性的知识和结论直接拿来作为中国人的疾病风险评估、遗传咨询或诊断治疗依据，是并不完善和可靠的。

国家代谢性疾病临床医学研究中心（上海）基于上海交通大学医学院附属瑞金医院牵头开展

的多项覆盖全国的队列研究，依托转化医学国家重大科技基础设施（上海）和医学基因组学国家重点实验室，实施了“中国代谢解析计划”ChinaMAP (China Metabolic Analytics Project)。

这项研究的主要负责人是瑞金医院内分泌代谢科主任王卫庆教授。近期王卫庆教授在接受《新民周刊》专访时表示，做这个研究的最终目标是“用中国人自己的数据组建中国人自己的精准医疗体”。